



K A R Y O

NGS Panel



ONCOLOGY

Διερευνήστε το μοριακό
προφίλ του όγκου

Χωρίς Όρια!



Xplorer

Βιοδείκτες

Μονογονιδιακοί

Μεταλλάξεις

Ανιχνεύει όλους τους τύπους μεταλλάξεων σε περισσότερα από 500 γονίδια:

SNVs

Μονονουκλεοτιδικές μεταλλάξεις

indels

Ενθέσεις και απαλοιφές

fusions

Νέες και γνωστές συντήσεις γονιδίων

splice variants

Παραλλαγές ματίσματος

CNVs

Αλλαγές αριθμού αντιγράφων, ενισχύσεις και μειώσεις

Βιοδείκτες

Πολυγονιδιακοί

TMB

Διερευνήστε το ενδεχόμενο απάντησης σε ανοσοθεραπείες με μέτρηση του φορτίου μεταλλάξεων του όγκου

MSI

Εκτιμήστε την προδιάθεση σε γενετική υπερμεταβλητότητα συγκρίνοντας περιοχές με μικροδορυφορική αστάθεια

Υπογραφή Μεταλλαγών

Αναλύστε την υπογραφή των μεταλλαγών για να διελευκάνετε τους αιτιολογικούς παράγοντες της ογκογένεσης

HRD

Ανεπάρκεια Ομόλογου Ανασυνδυασμού

Ανιχνεύστε μεταλλάξεις

σε 46 βασικά γονίδια του μονοπατιού του ομόλογου ανασυνδυασμού (**HRR**)

BRCA1, BRCA2, ATM, BARD1, BRIP1, CDK12, CHEK1, CHEK2, FANCL, PALB2, RAD51B, RAD51C, RAD51D, RAD54L, ABRAXAS1, ATR, BAP1, BLM, FANCA, FANCC, FANCD2, FANCE, FANCF, FANCG, FANCI, FANCM, MRE11, NBN, PARP1, PARP2, PARP3, POLD1, POLE, PPP2R2A, PTEN, RAD50, RAD51, RAD52, RNASEH2A, RNASEH2B, RNASEH2C, RPA1, SLX4, XRCC2, XRCC3, TP53

Εκτιμήστε τη γενετική αστάθεια του όγκου με

LOH

Loss Of Heterozygosity

LST

Large-scale State Transition

TAI

Telomeric Allelic Imbalance

Χαμηλή απαίτηση σε υλικό

20ng DNA ή RNA από τον κύβο παραφίνης (FFPE) αρκούν για την ανάλυση περισσότερων των 500 γονιδίων

Υψηλή ακρίβεια και ποσοστό επιτυχούς διεκπεραίωσης

Τύπος παραλλαγής	Ευαισθησία	Ειδικότητα
SNVs	98,90%	99,70%
Indels	100%	96,60%
CNV gain	100%	100%
CNV loss	93%	100%
Fusions	95,40%	95,40%