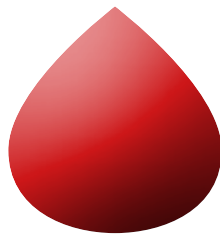




K A R Y O

NGS Panel



ONCOLOGY

**Υγρή Βιοψία**

Η λύση στην απουσία  
βιοπτικού υλικού

**SOLUTION**

# SOLUTION

## Υγρή Βιοψία Η λύση στην απουσία βιοπτικού υλικού

### SOLUTION<sub>lung</sub>

#### Ανάλυση

- ▶ Σημειακών μεταλλάξεων (SNVs) και
- ▶ Βραχέων Ενθέσεων / Απαλοιφών (Short Indels)

Στα Γονίδια: ALK, BRAF, EGFR, ERBB2, KRAS, MAP2K1, MET, NRAS, PIK3CA, ROS1 και TP53  
(καλύπτονται 168 hotspots)

Γονίδια Σύντηξης: ALK, RET, ROS1

MET exon 14 skipping

Αλλαγή αριθμού αντιγράφων (CNV): MET

Τα παρακάτω όρια ανίχνευσης (LOD) επιτυγχάνονται χάρη στην τεχνολογία Αλληλουχίας Ετικετών (Tag Sequencing)

|                               | LOD  | Ευαισθησία | Ειδικότητα |
|-------------------------------|------|------------|------------|
| SNVs και Short Indels         | 0,1% | ~90%       | >99%       |
| Συντήξεις & Met Exon Skipping | 1%   | ~90%       | >99%       |

Ανίχνευση αλλαγής αριθμού αντιγράφων του γονιδίου MET

|     | Ανίχνευση για Ενίσχυση |      |      |
|-----|------------------------|------|------|
| MET | >1,2%                  | >90% | >99% |

### SOLUTION<sub>colon</sub>

#### Ανάλυση

- ▶ Σημειακών μεταλλάξεων (SNVs) και
- ▶ Βραχέων Ενθέσεων / Απαλοιφών (Short Indels)

Στα Γονίδια:

AKT1, BRAF, CTNNB1, EGFR, ERBB2, FBXW7, GNAS, KRAS, MAP2K1, NRAS, PIK3CA, MAD4, TP53 και APC.

Όριο Ανίχνευσης (LOD)

0.1%

Χάρη στην τεχνολογία Αλληλουχίας  
Ετικετών (Tag Sequencing)